



SEQUENCE LISTING

<110> El-Gewely, Mohamed Raafat  
El-Gewely, Mohamed Raafat  
Gardner, Rebecca

<120> Methods of screening molecular libraries and active molecules identified thereby

<130> MBHB-04-585 (59.68.75763/001)

<140> 10/502,510  
<141> 2004-07-23

<150> PCT/GB03/00291  
<151> 2003-01-23

<150> GB0201522.0  
<151> 2002-02-23

<160> 53

<170> PatentIn version 3.3

<210> 1  
<211> 21  
<212> PRT  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> secretion signal peptide

<400> 1

Met Glu Thr Asp Thr Leu Leu Leu Trp Val Leu Leu Leu Trp Val Pro  
1 5 10 15

Gly Ser Thr Gly Asp  
20

<210> 2  
<211> 49  
<212> PRT  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> transmembrane domain

<400> 2

Ala Val Gly Gln Asp Thr Gln Glu Val Ile Val Val Pro His Ser Leu  
1 5 10 15

Pro Phe Lys Val Val Val Ile Ser Ala Ile Leu Ala Leu Val Val Leu

20

25

30

Thr Ile Ile Ser Leu Ile Ile Leu Ile Met Leu Trp Gln Lys Lys Pro  
35 40 45

Arg

<210> 3  
<211> 5  
<212> PRT  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> peptide derivative

<400> 3

Met Gly Trp Cys Thr  
1 5

<210> 4  
<211> 190  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> vector

<400> 4  
ttgacgcaaa tggcggtag gcgtgtacgg tgggaggct atataagcag agtcgttta 60  
gtgaaccgtc agatctctag aagctggta ccagctgcta gcaagcttgc tagcggccgc 120  
tcgaggccgg caaggccgga tccagacatg ataagataca ttgatgagtt tggacaaacc 180  
acaactagaa 190

<210> 5  
<211> 70  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> vector

<220>  
<221> misc\_feature  
<223> N = A, C, G or T in equal molar ratio

<220>

```

<221> misc_feature
<223> K = G or T in equal molar ratio

<220>
<221> misc_feature
<222> (37)..(38)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (39)..(39)
<223> K = G or T in equal molar ratio

<220>
<221> misc_feature
<222> (40)..(41)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (42)..(42)
<223> K = G or T in equal molar ratio

<220>
<221> misc_feature
<222> (43)..(44)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (45)..(45)
<223> K = G or T in equal molar ratio

<400> 5
aagagctcggtaccaagaag gagtttacat atggannkn nknkntgata aggatccaag 60
cttgaattca 70

<210> 6
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> synthetic sequence

<400> 6
aagagctcggtaccaagaag gag 23

<210> 7
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

```

<223> synthetic sequence

<400> 7  
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc

25

<210> 8  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> primer

<400> 8  
agagctcggt tagtgaaccg

20

<210> 9  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> primer

<400> 9  
gtggtttgtc caaactcatc

20

<210> 10  
<211> 55  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> library sequence

<400> 10

ggtaccaaga aggagttac atatggatg gtgtacttga taaggatcca agctt

55

<210> 11  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> primer

<400> 11  
ctacctcagg cagctcaagc

20

<210> 12  
<211> 20

```

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 12
agacagcacc ctcatcatgc 20

<210> 13
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 13
tggtgctcat cttaatggcc 20

<210> 14
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 14
tgacaaaacc taacttgcgc 20

<210> 15
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 15
aagcagtggtaacaacgcag agtact 26

<210> 16
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 16
aagcagtggtaacaacgcag agt 23

```

```

<210> 17
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 17
atctaagctt gaggcttcag cccgggaatt ccag 34

<210> 18
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 18
atctaccgtt gccagcagtg gcgccgtcca acag 34

<210> 19
<211> 31
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 19
aataaaccgg gtcgccacca tggtagcaa g 31

<210> 20
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 20
aataatctag aacttgtaca gctcgatccat gccg 34

<210> 21
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

```

<400> 21  
tcgtaaatca ctgcataatt cg 22

<210> 22  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 22  
gtccatacccttttacgtg aa 22

<210> 23  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 23  
gattagcgga tcctacctga cg 22

<210> 24  
<211> 22  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 24  
gccaggcaaa ttctgtttta tc 22

<210> 25  
<211> 24  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> primer

<400> 25  
tcaggtcgaa aattatcgca ttat 24

<210> 26  
<211> 24  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>		
<223> Primer		
<400> 26		24
tcgcccgtaat ggctagtcac atcc		
<210> 27		
<211> 20		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 27		20
taatacgact cactataggg		
<210> 28		
<211> 17		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 28		17
attaaccctc actaaag		
<210> 29		
<211> 24		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 29		24
cgattacgctg tgaatctaac agcc		
<210> 30		
<211> 24		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 30		24
ggctgttaga ttcacgcgtt atcg		
<210> 31		

<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 31		
cctgatgctg atgccagatg agcgc	25	
<210> 32		
<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 32		
gcgctcatct ggcatcagca tcagg	25	
<210> 33		
<211> 20		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 33		
gataatgtgc gcgtcgaata	20	
<210> 34		
<211> 20		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 34		
tttgcgaaa cgcagatcgt	20	
<210> 35		
<211> 20		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 35		
gtgtcgccct tattcccttt	20	

<210> 36  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 36  
ggcacctctc tcagcgatct

20

<210> 37  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 37  
agcgaatacg tcttccgtca

20

<210> 38  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 38  
gatggctgg ttcacatcgt

20

<210> 39  
<211> 21  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> library sequence

<400> 39  
atgggtttt ggaggtgata a

21

<210> 40  
<211> 5  
<212> PRT  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> library sequence

<400> 40

Met Gly Phe Leu Arg  
1 5

<210> 41  
<211> 5  
<212> PRT  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> library sequence

<400> 41

Met Gly Phe Trp Arg  
1 5

<210> 42  
<211> 71  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Primer

<220>  
<221> misc\_feature  
<223> N = A, T, G or C

<220>  
<221> misc\_feature  
<223> K = G or T

<220>  
<221> misc\_feature  
<222> (37)..(38)  
<223> n is a, c, g, or t

<220>  
<221> misc\_feature  
<222> (39)..(39)  
<223> K = G or T

<220>  
<221> misc\_feature  
<222> (40)..(41)  
<223> n is a, c, g, or t

<220>  
<221> misc\_feature  
<222> (42)..(42)  
<223> K = G or T

```

<220>
<221> misc_feature
<222> (43)..(44)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (45)..(45)
<223> K = G or T

<400> 42
aagagctcgg taccaagaag gagttacat atggannkn nknkgtata agatccaag 60
cttgaattca g 71

<210> 43
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 43
aagagctcgg taccaagaag gag 23

<210> 44
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 44
cttggatcc ttatc 25

<210> 45
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 45
agagctcgtt tagtgaaccg 20

<210> 46
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

```

<220>		
<223> Primer		
<400> 46		
gtggttgtc caaactcatc	20	
<210> 47		
<211> 23		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 47		
aagagctcgg taccaagaag gag	23	
<210> 48		
<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 48		
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc	25	
<210> 49		
<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> library sequence		
<400> 49		
caagcttgct agcagctggt accca	25	
<210> 50		
<211> 84		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> library sequence		
<400> 50		
cctcgagctg ccgctagcaa gcttggatcc ttatcaagta caccatccca tatgtaaact	60	
ccttcttggc acccagcttc taga	84	

<210> 51  
<211> 5  
<212> PRT  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Peptide

<220>  
<221> MISC\_FEATURE  
<222> (2)..(2)  
<223> Xaa = G or M or V

<400> 51

Met Xaa Trp Cys Thr  
1 5

<210> 52  
<211> 6  
<212> PRT  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> peptide

<400> 52

Met Gly Trp Cys Thr Lys  
1 5

<210> 53  
<211> 4  
<212> PRT  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> peptide

<400> 53

Trp Cys Thr Lys  
1